



UNIVERSIDAD DE GRANADA

Departamento de
Zoología

Jorge Doña Reguera



Jorge Doña Reguera

Profesor Permanente Laboral

Enlaces:

- Grupo de investigación: Ecología Evolutiva y Comportamiento (<https://zoologia.ugr.es/investigacion/grupos/ecologia-evolutiva-comportamiento>)
- ORCID: <https://orcid.org/0000-0002-5075-9627>
- SCOPUS: <https://www.scopus.com/authid/detail.uri?authorId=56652209100>
- ResearchID: <https://www.webofscience.com/wos/author/record/E-9544-2015>
- web/s personal: <https://jdona.com>

Mi línea de investigación se centra en el estudio de simbioses de aves mediante aproximaciones moleculares y genómicas. Realicé mi tesis doctoral en la Estación Biológica de Doñana (CSIC), donde estudié los procesos eco-evolutivos asociados a la especiación por cambio de hospedador en simbioses altamente específicos (ácaros de las plumas de las aves). Posteriormente, fui investigador postdoctoral en la University of Illinois at Urbana-Champaign con una beca Marie Skłodowska-Curie Global, institución con la que mantengo una afiliación como Research Affiliate desde 2017. En los últimos años, mi investigación se ha orientado al estudio de procesos evolutivos fundamentales, pero aún poco comprendidos, en sistemas hospedador-simbionte (piojos de aves, principalmente), incluyendo el papel del microbioma y, más recientemente, la hibridación y la introgresión genómica. Actualmente estoy desarrollando una nueva línea de investigación sobre adaptación local genómica al clima en simbioses permanentes (GENCLIMLICE), integrando datos genómicos, ambientales, experimentales y macroecológicos dentro de un marco de genómica de la conservación. Además, soy coordinador de la Lista Roja del IUCN SSC Parasite Specialist Group.

My research focuses on the study of bird symbionts using molecular and genomic approaches. My PhD at the Doñana Biological Station (CSIC) focused on the eco-evolutionary processes underlying host-shift speciation in highly host-specific symbionts (bird feather mites). I was a postdoctoral researcher at the University of Illinois at Urbana-Champaign under a Marie Skłodowska-Curie Global Fellowship, where I have been a Research Affiliate since 2017. In recent years, my research has expanded to address fundamental yet poorly understood evolutionary processes in host-symbiont systems (avian lice, mainly), including the role of microbiomes and, more recently, hybridization and genomic introgression. I am now developing a new research line on climate-driven local genomic adaptation in obligate symbionts (GENCLIMLICE), combining genomic, environmental, experimental, and macroecological data within a conservation genomics framework. In addition to my research, I serve as Red List Coordinator for the IUCN SSC Parasite Specialist Group.

Líneas de investigación

- Ecología y biología evolutiva de simbioses de aves
- Interacciones hospedador-simbionte y coevolución
- Endosimbioses y microbiomas en sistemas hospedador-simbionte
- Hibridación e introgresión en simbioses especialistas
- Filogenómica y genómica de poblaciones
- Adaptación local genómica al clima y genómica de la conservación

Research lines

- Ecology and evolution of avian symbionts
- Host-symbiont interactions and coevolution
- Endosymbionts and microbiomes in host-symbiont systems
- Hybridization and genomic introgression in highly specialized symbionts
- Phylogenomics and population genomics
- Climate-driven local genomic adaptation and conservation genomics

Publicaciones más relevantes

- **Doña, J.**, & Johnson, K. P. (2023). Host body size, not host population size, predicts genome-wide effective population size of parasites. *Evolution Letters*, 7, 285-292
- Johnson, K. P., Matthee, C & **Doña, J.** (2022). Phylogenomics reveals the origin of mammal lice out of Afrotheria. *Nature Ecology & Evolution*, 6, 1205-1210.
- Carlson, C. J., Hopkins, S., Bell, K. C., **Doña, J.**, Godfrey, S. S., Kwak, M. L., ... & Wood, C. L. (2020). A global parasite conservation plan. *Biological Conservation*, 250, 108596.
- **Doña, J.**, Johnson, KP. (2020). Assessing symbiont extinction risk using cophylogenetic data. *Biological Conservation*, 108705
- **Doña, J.**, Serrano, Oddy-Van, A., D., Ascunce, M., Huguet-Tapia, JC., Johnson, KP., Proctor, HC., Jovani, R. (2019). Feather mites play a role in cleaning host feathers: New insights from DNA metabarcoding and microscopy. *Molecular Ecology*, 28, 203- 218
- **Doña, J.**, Diaz-Real, J., Mironov, S., Bazaga, P., Serrano, D., Jovani, R. (2015). DNA barcoding and minibarcoding as a powerful tool for feather mite studies. *Molecular Ecology Resources*, 15, 1216-1225